

DNA-Analyseergebnisse

Youtube King vom Sutumer Grund

Züchterpaket 1

Besitzer
Rosi Weissenfels

Chipnummer
276094100152624

Probennummer
200915-22860

Wurfstag
26.11.2018

Geschlecht
Rüde

Hundenname
Youtube King vom Sutumer Grund

Probenmaterial
EDTA Blut

Rasse
Weißer Schweizer Schäferhund

ZB Nummer
VDH/RWS 18/3255

Die Identität des Tieres wurde mittels Mikrochips oder Tätowierung durch den Tierarzt oder einer anderen autorisierten Person im Zuge der Probenentnahme bestätigt:
durch den Veterinär

Mögliche Ergebnisse

FREI (clear)

Das Testergebnis „frei“ bedeutet, dass der untersuchte Hund KEINE Mutation für eine bestimmte genetische Erkrankung trägt.

TRÄGER (carrier)

Das Testergebnis „Träger“ bedeutet, dass der untersuchte Hund EINE Kopie der Mutation für eine bestimmte genetische Erkrankung trägt. Der untersuchte Hund muss aber keine klinischen Symptome aufgrund dieser Mutation entwickeln, da meist zwei Kopien einer Mutation für einen Ausbruch einer Erkrankung notwendig sind.

TRÄGER (carrier) / GEFÄHRDET (at risk)

Das Testergebnis „Träger/gefährdet“ weist darauf hin, dass der untersuchte Hund EINE Kopie der Mutation trägt, die eine bestimmte genetische Erkrankung verursacht. Aufgrund der Art der Vererbung kann bereits EINE mutierte Kopie des Gens zu einem Ausbruch der Erkrankung führen. Hunde mit nur einer Kopie weisen möglicherweise weniger stark ausgeprägte Symptome auf, als Hunde die zwei veränderte Kopien des Gens tragen.

GEFÄHRDET (at risk)

Das Testergebnis „Träger/gefährdet“ weist darauf hin, dass der untersuchte Hund EINE Kopie der Mutation trägt, die eine bestimmte genetische Erkrankung verursacht. Aufgrund der Art der Vererbung kann bereits EINE mutierte Kopie des Gens zu einem Ausbruch der Erkrankung führen. Hunde mit nur einer Kopie weisen möglicherweise weniger stark ausgeprägte Symptome auf, als Hunde die zwei veränderte Kopien des Gens tragen.

KEIN ERGEBNIS

Das Testergebnis „Kein Ergebnis“ deutet darauf hin, dass im Zuge der Analysen kein Ergebnis für eine spezifische Krankheit / Eigenschaft Ihres Hundes ermittelt werden konnte. Das bedeutet nicht, dass Ihr Hund ein Träger oder gefährdet für diese Erkrankung ist. Es gibt verschiedene Gründe, warum ein bestimmter Test fehlschlagen kann. Das können einzigartige Variationen in bestimmten Regionen in der DNA sein, die dazu führen, dass ein Test nicht erfolgreich abgeschlossen werden kann und somit kein Ergebnis liefert. Es kann auch sein, dass bei der Entnahme der Mundschleimhautprobe zu wenige Zellen haften blieben und so zu wenig Material für die Analyse vorhanden war. Auch Bakterien oder Pilze, die sich bei nicht ausreichender Trocknung der Bürstchen auf diesen vermehren können, können sich negativ auf die Analysequalität auswirken. Ergebnisse mit mindestens 90% erfolgreichen Analysen werden als akzeptabel angesehen. Sollte Ihr Hund eine nicht akzeptable Zahl von ausgefallenen Resultaten zeigen, werden wir Sie für die Zusendung von neuem Probenmaterial kontaktieren

Rassespezifische Erkrankungen

Genetische Analyse	Genotyp	Interpretation
Degenerative Myelopathie (Klassische Variante)	N/N	frei (clear)
Ektodermale Dysplasie - XLHED x-chromosomal (Schäferhund Typ)	N/Y	männlich frei (male clear)
Hyperurikosurie - HUU	N/N	frei (clear)
Hämophilie A (Deutscher Schäferhund Typ 1)	N/Y	männlich frei (male clear)
Hämophilie A (Deutscher Schäferhund Typ 2)	N/Y	männlich frei (male clear)
Leukozyten Adhäsionsdefizienz III - CLAD III	N/N	frei (clear)
Mukopolysaccharidose Typ VII - MPS VII (Schäferhund Typ)	N/N	frei (clear)
Multidrug Resistance 1 - MDR1	N/N	frei (clear)
Nierenzellkarzinom & Noduläre Dermatofibrose - RCND	N/N	frei (clear)
Progressive Retinaatrophie - PRA-PRCD Progressive Rod-Cone Degeneration	N/N	frei (clear)



Dr. rer. nat. A.M. Geretschläger

Die Genauigkeit und Präzision des Tests wurden vom Labor genauestens überprüft. Da alle durchgeführten Analysen DNA-basiert sind, können in seltenen Fällen seltene genomische Variationen die Analysen beeinflussen und zu abweichenden Ergebnissen führen. Sollten Sie der Meinung sein, dass bei den Ergebnissen ein Fehler vorliegt, wenden Sie sich bitte für eine weitere Evaluierung umgehend an unser Labor.